

QBalance



QBase nieuwsbrief van de SKML
oktober 2008 - Editie 11

SKML nieuwsbrief 11

In de laatste nieuwsbrief is de komst van het digitale archief beschreven. Bij het verschijnen van deze nieuwsbrief is ook het laatste deel hiervan gereed gekomen: het archiveren en beschikbaar stellen van alle documenten die in relatie staan tot de rondzendingen. Ook wordt in deze nieuwsbrief kort stilgestaan bij het beschikbaar komen van een aantal nieuwe rapportage-layouts.

Digitale archief

Met het beschikbaar komen van het digitale archief heeft het CFB meer mogelijkheden om de deelnemers en de rondzenders van dienst te zijn bij het verwerken van de verschillende rondes. Het belangrijkste deel is voor de deelnemers niet direct zichtbaar: de automatische registratie van e-mail en de daarbij behorende bijlagen. Door deze registratie zijn wij beter in staat om de steeds toenemende hoeveelheid vragen ordentelijk te archiveren en ook later weer terug te vinden bij de betreffende rondzending (en ronde).

Rapportage

De belangrijkste plaats waar u de veranderingen zult bemerken, is de rapportage. In het oude systeem ontving u een automatisch gegenereerde e-mail met daarin een snelkoppeling (hyperlink) naar het rapport dat klaar staat om gedownload te worden (zie figuur 1). Deze benadering heeft als nadeel dat enerzijds de tekst van het bericht vast is en anderzijds er geen bijlagen meegestuurd kunnen worden. In het nieuwe systeem kan de inhoud van

de e-mail wel op maat gemaakt worden. Ook kan er aanvullende informatie worden meegestuurd, zoals bijvoorbeeld een jaarrapport of een bespreking. Een voorbeeld vindt u in figuur 2. Een potentieel probleem is dat de e-mail nu bijlagen bevat en dus aanzienlijk meer ruimte in beslag neemt in uw mailbox. Dit zal meestal geen probleem zijn.

Indien dit wel een probleem gaat vormen, zullen wij een alternatieve oplossing gaan bedenken in de vorm van de hyperlinks. U kunt natuurlijk altijd de rapporten en de bijlagen downloaden via de archief functie in QBase (zie figuur 3). In de toekomst komen deze documenten ook beschikbaar via de website die momenteel in ontwikkeling is.

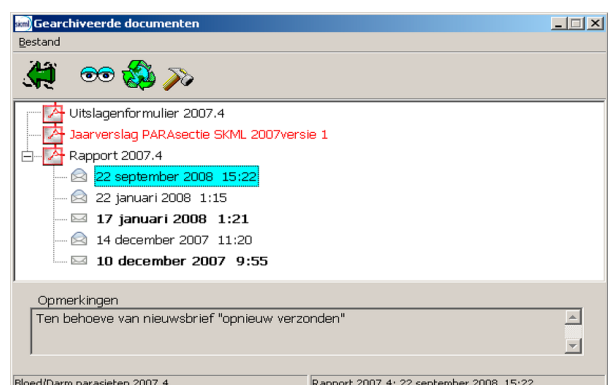
Figuur 1. ►
E-mail met aankondiging
nieuwe rapporten
(oude wijze van rapporteren)



Figuur 2. ►
Nieuwe wijze van rapporteren



Figuur 3. ►
Overzicht in QBase van
beschikbare documenten.
Algemeen beschikbare documenten
(niet op naam gesteld) worden
in een rode kleur aangegeven.



Nieuwe layouts in QBase

M-proteïne

Sinds juli 2008 is de M-proteïne rondzending in een nieuw jasje gestoken. Vanaf ronde 2008.3 is het mogelijk (en ook verplicht) om per immunoglobuline aan te geven of deze bepaald wordt en zo ja met welke methode. Belangrijk is ook om aan te geven met welke methode de M-proteïnen worden bepaald (zie ook figuur 4 en de helpdocumenten onder het helpmenu in QBase). Indien dit niet wordt ingevuld, verschijnt de mogelijkheid om de typering in te vullen niet op het invoerscherm.

Na het invullen van dit scherm, kunnen de uitslagen worden ingevoerd op het resultatscherm (zie figuur 5). Om het

toekennen van een score mogelijk te maken, is de concentratie getabelleerd. Aan elke mogelijke uitslag kan een score worden verbonden, die gerapporteerd wordt in de nieuwe rapportagelayout die binnenkort beschikbaar komt.

Infectiezieken serologie

De rapportage van de rondzendingen van de sectie Infectiezieken serologie is uitgebreid met de mogelijkheid voor het toekennen van scores voor de kwalitatieve uitslagen. Dit heeft o.a. tot gevolg dat het niet meer nodig is om voor bijvoorbeeld de hepatitis rondzending zowel de (toen nog niet scorende) kwalitatieve uitslag in te vullen, als de (toen wel scorende) conclusievragen te

beantwoorden. Conclusievragen zullen dan ook veelal niet meer gesteld worden. Alleen daar waar er een conclusie te trekken is uit meerdere bepalingen, zal er met conclusievragen gewerkt blijven worden.

Hb varianten

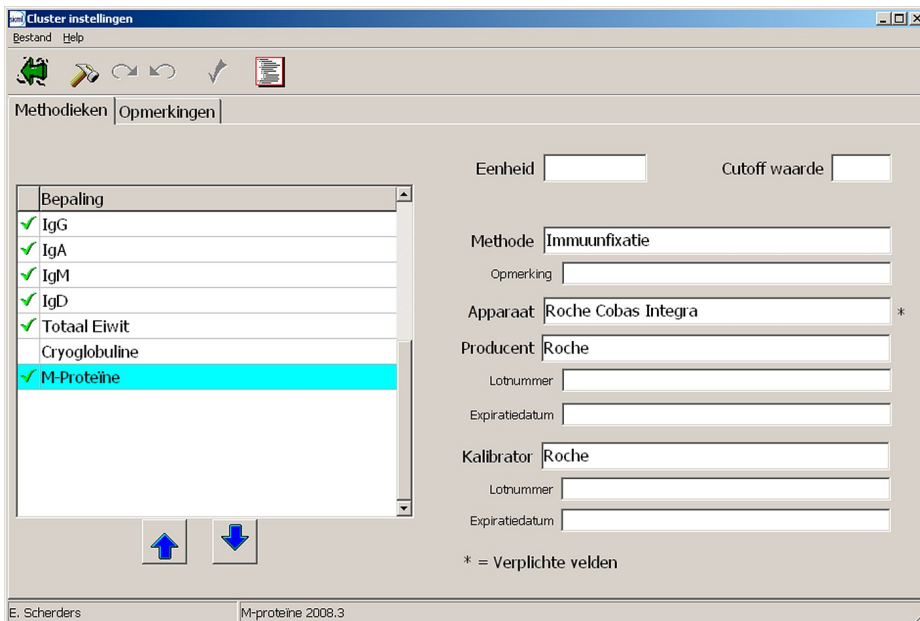
De rondzending Hb varianten is met ingang van dit jaar sterk vereenvoudigd. Deelnemers hebben daar inmiddels al kennis mee kunnen maken. De rapportage van deze rondzending gaat gebruik maken van de bestaande layout van de rondzendingen voor de Infectiezieken serologie.

Ontwikkelingen

Op dit moment wordt gewerkt aan het ontwerp voor de rondzending 'Leukocyten/lymfoom'. Zodra dit ontwerp definitief is, wordt het ingebouwd in QBase en kunnen ook voor deze rondzending de uitslagen worden ingevoerd via QBase. U zult nader worden geïnformeerd zodra deze mogelijkheid is gerealiseerd.

Afmeldingen

Wij maken u erop attent dat afmeldingen voor rondzendingen voor 2009 vóór 1 december (schriftelijk: mail, fax, brief) binnen moeten zijn op het CFB!



▲ Figuur 4. Methode instellingen scherm in QBase voor de M-proteïnen rondzending.

▼ Figuur 5. Voorbeeld resultaten invoer scherm M-proteïnen.

Immunoglobulinen kwantitatief

Totaal Eiwit g/l

M-Proteïnen typering/kwantificering

Aantal M-Proteïnes

| M-Proteïne | Concentratie | Methode |
|--|--------------------------------------|--|
| <input type="text" value="IgG kappa"/> | <input type="text" value="0,5"/> g/l | <input type="text" value="Band uit spectrum"/> |
| <input type="text" value="Vrije kappa"/> | <input type="text" value="NTK"/> g/l | <input type="text" value="Band uit spectrum"/> |